



DOI: <http://dx.doi.org/10.21270/archi.v5i0.1334>

## GradP-o88

### Genes de resistência à tetraciclina entre dependentes químicos e não dependentes

Ana Carolina Zucon **BACELAR**, Naara Gabriela **MONTEIRO**, Marcella Santos **JANUZZI**, Robson Varlei **RANIERI**, Ana Cláudia **OKAMOTO**, Elerson **GAETTI-JARDIM JÚNIOR**  
Departamento de Patologia e Propedêutica Clínica, Faculdade de Odontologia de Araçatuba, Universidade Estadual Paulista “Júlio de Mesquita Filho” – UNESP, Araçatuba – SP, Brasil

Os quadros de depressão imunológica associados à dependência química são frequentes e podem predispor a diversas doenças infecciosas, cujo tratamento com antimicrobianos pode criar condições favoráveis à disseminação de genes de resistência a esses fármacos. Os marcadores de resistência às tetraciclina são bons indicadores da presença de genes de resistência na microbiota e denotam, quase sempre, amplo contato com esses fármacos. O objetivo desse estudo foi avaliar a presença de marcadores de resistência às tetraciclina no biofilme de 50 pacientes com dependência química e de 50 indivíduos não dependentes. O histórico de uso de drogas antimicrobianas nos dois grupos foi avaliado e as amostras de biofilme foram colhidas do sulco gengival saudável, uma vez que todos os indivíduos eram periodontalmente saudáveis. O DNA microbiano do biofilme foi extraído por fervura e a presença dos genes *tetK*, *tetM* e *tetO* foi determinada por meio da amplificação do DNA através da reação em cadeia da polimerase (PCR), utilizando-se de iniciadores e condições específicas para cada gene de resistência. Os resultados foram submetidos à análise estatística pelo teste de correlações de Spearman. O gene *tetM* foi observado em 22% das amostras de biofilme de dependentes e de 14% dos não dependentes, enquanto os genes *tetK* e *tetO* foram observados em 4% e 12% dos dependentes e de 2% e 16% dos não dependentes. Os dois grupos de pacientes mostraram frequência semelhante de detecção dos marcadores alvo. Embora modestos, os níveis de detecção desses genes sugerem que a população como um todo esteja sendo exposta aos antimicrobianos e que a microbiota esteja sendo alvo de pressão seletiva.

**Descritores:** Antibacterianos; Resistência à Tetraciclina; Genética; Tetraciclina.

**Agradecimentos/Apoio Financeiro:** FAPESP (Processo 2012/54851-0)